



CONSIGLIO DIRETTIVO

Presidente:

Paola Grammatico (Roma)

Segretario-Tesoriere

Giuseppe Merla (Napoli, San Giovanni Rotondo)

Consiglieri:

Domenico Dell'Edera (Matera)

Sabrina Rita Giglio (Milano)

Maria Iascone (Bergamo) Paola Mandich (Genova)

Giuseppe Merla (Napoli, San Giovanni Rotondo)

Monica Rosa Miozzo (Milano)

PRESIDENTE DEL CONGRESSO

Orsetta Zuffardi

COMITATO SCIENTIFICO DEL CONGRESSO

Giuseppe Novelli (Roma)

Maria Clara Bonaglia (Lecco)

Irene Bottillo (Roma)

Antonio Capalbo (Chieti)

Francesca Faravelli (Genova)

Matteo Floris (Sassari)

Davide Gentilini (Pavia)

Daniele Ghezzi (Milano)

Emiliano Giardina (Roma)

Emanuela Salzano (Palermo)

Clelia Tiziana Storlazzi (Bari)

in rappresentanza del Consiglio Direttivo

Domenico Dell'Edera (Matera)

Monica Rosa Miozzo (Milano)

SEGRETERIA ORGANIZZATIVA

Biomedica Srl

Via Libero Temolo 4 – 20126, Milano

Email: congressosigu@biomedica.net

SOCIETÀ ITALIANA

DI GENETICA UMANA

Segreteria di Presidenza

e-mail: sigu@biomedica.net

Tel. 02.4549828

Relatori e moderatori

Denise Albani
Milano

Rando L. Allikmets
New York (USA)

Stylianos Antonarakis
Ginevra (Svizzera)

Maurizio Balistreri
Viterbo

Renato Biondo
Roma

Emilia K. Bijlsma
Leiden (Paesi Bassi)

Norbert Bittner
Monaco

Graeme Black
Manchester

Maria Clara Bonaglia
Lecco

Annalisa Botta
Roma

Irene Bottillo
Roma

William Bruno
Genova

Antonio Capalbo
Chieti

Mario Capasso
Napoli

Daniela Caputo
Milano

Laura Cardarelli
Parma

Valerio Carelli
Bologna

Piero Carninci
Milano, Yokohama (Giappone)

Giovanni Cazzaniga
Milano

Erika Cecchin
Aviano

Fabio Coppedè
Pisa

Domenico Dell'Edera
Matera

Francesco Dotta
Pisa

Nicolas Encina
Boston

Franca Fagioli
Torino

Francesca Faravelli
Genova

Paolo Fattorini
Trieste

Alessandra Ferlini
Ferrara

Romina Ficarella
Bari

Matteo Floris
Sassari

Livia Garavelli
Reggio Emilia

Massimo Gennarelli
Brescia

Davide Gentilini
Pavia

Daniele Ghezzi
Milano

Giuliana Giannuzzi
Milano

Emiliano Giardina
Roma

Sabrina Rita Giglio
Milano

Paola Grammatico
Roma

Maria Iascone
Bergamo

Michael Inouye
Cambridge (UK)

Bart Leroy
Gent (Belgio)

Adrian Llerena
Badajoz (Spagna)

Franco Locatelli
Roma

Cecilia Lugato
Roma

Paola Mandich
Genova

Alberto Marino
Parma

Giuseppe Matullo
Torino

Giuseppe Merla
Napoli, San Giovanni Rotondo

Monica Rosa Miozzo
Milano

Mikko Niemi
Helsinki (Finlandia)

Antonio Novelli
Roma

Giuseppe Novelli
Roma

Christian Simon Ottolini
Roma

Alistair Pagnamenta
Exter (UK)

Francesca Peluso
Reggio Emilia

Angela Peron
Firenze

Federica Perino
Trieste

Gianluca Petris
Udine

Nicola Pirastu
Milano

Birgitte Regenberg
Copenhagen

Alessandra Renieri
Siena

Giovanni Romeo
Bologna

Emanuela Salzano
Palermo

Marco Sazzini
Bologna

Annalisa Scopinaro
Roma

Marco Seri
Bologna

Mariasavina Severino
Genova

Clelia Tiziana Storlazzi
Bari

Marco Tartaglia
Roma

Joris Vermeesch
Leuven (Bruxelles)

Maria Teresa Voso
Roma

Mercoledì 7 ottobre 2026

11:00-12:30 **GDL GENETICA CLINICA** - Auditorium

GDL SCIENZE OMICHE - Sala della piazza

GDL CITOGENOMICA E GENETICA PRENATALE E RIPRODUTTIVA - Sala del tempio

GDL FARMACOGENOMICA - Sala della marina

GDL MULTIFATTORIALI - Sala del faro

12.30-14:00 **GDL GENETICA ONCOLOGICA** - Auditorium

GDL SIGU SANITA' - Sala della piazza

GDL EPIGENETICA - Sala del tempio

GDL SIGU GIOVANI - Sala della marina

GDL GENETICA FORENSE - Sala del faro

14:00-15:00 **APERTURA DEL CONGRESSO**
Auditorium **Saluto del Presidente e saluti delle Autorità**

14:15-15:00 **Introduce: Giuseppe Novelli**
Auditorium **OPENING LECTURE "Small nuclear RNA genes and Mendelian disorders"**
Stylianos Antonarakis

15:00-17:00 **SESSIONE PLENARIA** - Auditorium

Auditorium **RNA E MALATTIE: "L'RNA nelle Malattie Mendeliane: Splicing, Nonsense-Mediated Decay e Terapie RNA-Based**
Moderatori: Giuseppe Merla, Giuseppe Novelli

Long non-coding RNAs regulate genome activity
Piero Carninci

Myotonic Dystrophy as a Model of RNA-Mediated Disease
Annalisa Botta

Non coding RNAs as biomarkers for diabetes diagnosis and staging
Francesco Dotta

17:00-17:30 Intervallo

17:30-19:00 **SESSIONE PLENARIA – Auditorium**
Auditorium **Migliori abstract selezionati (C1-C6)**
Moderatori: Paola Grammatico, Marco Tartaglia

C 01 **Dissecting the role of TRIM8 in the Focal Segmental Glomerulosclerosis and Neurodevelopmental syndrome**
G. Gemma, E. Di Venere, U. Bhaduri, G. M. Squeo, P. Salerno, A. Antonio, A. Cainazzo, M. Pazienza, L. Staiano, M. L. Testa, F. Cozzolino, M. Monti, A. Petrova, E. Giunta, G. Hayot, C. Golzio, G. Merla

C 02 **Modulation of CaV2.2 isoforms as a therapeutic strategy for CACNA1A-related disorders**
I. Musante, F. Jaudon, S. Riccardi, F. Zara, L. A. Cingolani, P. Scudieri

- C 03** **GNB5 pathogenic variants impair maturation and excitability in human iPSC-derived pacemaker-like cardiomyocytes model of Lodder-Merla syndrome**
P. Benzonì, R. Zaccaria, A. Ammendola, E. Di Venere, M. Baruscotti, M. Rollino, P. Salerno, G. Merla
- C 04** **Multi-omics and enhanced bioinformatics for improving diagnostic yield and therapeutic actionability in rare diseases: the PARADIGM project**
E. Iovino, F. Isidori, G. Corona, T. Gaspari, C. De Masi, E. Luppi, L. Monti, M. Karali, M. Zanolio, F. P. Palmieri, P. Di Letto, P. Magini, D. Turchetti, M. Seri, S. Banfi, A. Auricchio, I. Trapani, E. Giorgio, G. Piluso, T. Pippucci
- C 05** **Hi-C enables genome-wide detection and characterization of complex SVs**
A. Basile, I. Battistella, M. Zadorozhna, M. Fratelli, L. Formentini, E. Pesce, T. Pippucci, A. Cortese, I. Cani, P. Cortelli, S. Ratti, M. Spielmann, L. Conti, E. Giorgio
- C 06** **Targeting Cryptic Splicing Variants in SDCCAG8, CEP290, and ABCA4: A Translational Workflow from Diagnosis to ASO-Based Therapy**
M. Zadorozhna, S. Rossi, E. Tenderini, I. Brentari, A. Basile, G. Pezzin, R. Venturini, F. Isidori, E. Luppi, E. Panza, E. Rossi, M. Zanolio, M. Karali, T. Pippucci, G. Piluso, M. A. Denti, M. Seri, S. Banfi, I. Trapani, E. Giorgio
- 19:00-19:15 **Premio Giovanna Camerino**
- 19:15-19:30 **Premio alla Carriera**

Giovedì 8 ottobre 2026

- 08:30-10:00 **POSTER VIEW CON AUTORI**
poster (numeri pari)
- 10:00-11:30 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Auditorium)**
- Screening neonatale genomico**
Moderatori: Francesca Faravelli, Maria Iascone, Annalisa Scopinaro
- Global Advancements in Genomic Newborn Screening**
Nicolas Encina
- Esperienze regionali a confronto:**
Piemonte: Franca Fagioli
Emilia Romagna: Alessandra Ferlini
Puglia: Romina Ficarella
- 10:00-11:30 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala della Piazza)**
- GENETICA ONCOLOGICA**
Moderatori: William Bruno, Clelia Tiziana Storlazzi
- Extrachromosomal DNA (ecDNA): Cancers Dynamic Circular Genome**
Birgitte Regenberg
- Predisposizione genetica ai tumori ematologici**
Giovanni Cazzaniga

Traiettorie clonali nelle neoplasie mieloidi: ruolo della predisposizione germinale e della CHIP

Maria Teresa Voso

11:30-11:40 Intervallo

SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Auditorium)

Comunicazioni orali 4 talks (C7-C10)

CARDIOGENETICA

Moderatori: Maria Iascone, Paola Mandich

C 07 A hierarchical multi-omics integration framework for the identification of molecular drivers in diabetic cardiomyopathy

R. Filomena, C. Di Primio, K. Sana Hafeez, E. Casalone, E. Jalis Herman, A. Russo, M. Rosselli, A. Allione, E. Audreau, F. Sam, G. Derumeaux, C. Cardiateam, G. Matullo

C 08 Circulating microRNA signatures track clinical transition in a genetically homogeneous cohort of MYH7-mutated families

R. R. De Simone, F. Uomo, M. Caiazza, C. De Falco, D. Dottore Stagna, F. Granata, C. Nardelli, E. Monda, G. Limongelli, G. Frisso

C 09 Mitochondrial DNA analysis in elusive familial cardiomyopathy

I. Donati, G. Parmeggiani, E. Gardini, M. Iascone, V. Carelli, G. Ancora, G. Vergine, L. Caporali, M. Capelli, S. Carigi, P. Testa, C. Graziano

C 10 Recurrent LMNA c.949G>A variant associated with shared cardiomyopathic and arrhythmic features in a series of unrelated affected patients from the same geographic area

V. Caputo, E. Marchionni, G. D'Ortenzi, A. L. Del Popolo, E. Ziantoni, Y. A. Minafò, I. Bagni, S. De Petris, F. Romeo, C. Crescenzi, S. Caroselli, M. Fabiani, C. Micolonghi, S. Petrucci, L. Calò, R. Mango, M. Piane, G. Novelli, F. Sangiuolo

SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala della Piazza)

Comunicazioni orali 4 talks (C11-C14)

MALATTIE RENALI

Moderatori: Sabrina Rita Giglio, Federica Perino

C 11 Transcriptomic signatures reveals stage-dependent podocyte maladaptive remodeling in Alport Syndrome

A.M. Pinto, S. Daga, L. Massella, A. Renieri

C 12 Genotype-phenotype correlation in Autosomal Dominant Polycystic Kidney Disease (ADPKD): real-world data from a large Italian multicenter cohort of PKD1 and PKD2 patients

C. Izzì, V. Cinquina, R. Cortinovis, C. Mazza, D. Toso, L. Econimo, C. Dordoni, A. Pani, A. Angioi, G. Castellano, R. Cerutti, G. Loreto, G. Piscopo, G. La Manna, I. Capelli, F. Aucella, S. Melchionda, B. Maresca, V. Corradi, C. Marcantoni, M. Zacchia, S. Giovanella, M. Guarneri, G. Savoldi, F. Alberici, F. Scolari

C 13 Tuberous sclerosis complex: phenotype and genotype in childhood

G. Delcaro, L. Lucchetti, F. Tripodi, F. Scaramuzzino, R. Moavero, G. Sforza, A. Voci, M. Mucciolo, F. Emma, L. Massella

- C 14** **Integrated WES-Based Workflow for Comprehensive Genetic Diagnosis of Autosomal Dominant Tubulointerstitial Kidney Disease (ADTKD)**
V. Cinquino, C. Mazza, D. Toso, C. Dordoni, L. Econimo, R. Cortinovis, L. Zeni, V. Bertini, A. Carrer, M. Giacchè, G. Carini, N. Chiarelli, V. Corradi, M. Rigato, C. Marcantoni, F. Mangione, F. Alberici, F. Scolari, G. Savoldi, M. Ritelli, C. Izzi
- 11:40-12:40 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala del Tempio)**
 Comunicazioni orali 4 talks (C15-C18)
- NEUROGENETICA**
Moderatori: Giuseppe Merla, Emanuela Salzano
- C 15** **De novo MACROH2A1 missense variants underlie a novel Mendelian histonopathy**
M. Morleo, A. Mahmood, T. Brunet, L. Duffy, A. Delicato, M. Paladino, P. Chacon-Millan, R. De Cegli, U. Kotzaeridou, F. Kaintoch, M. Wagner, U. D. P. Telethon, A. Torella, C. Spampinato, E. Polishchuk, M. Paolini, J. Rudolph, A. Coppola, M. Scala, C. Ciaccio, S. D'Arrigo, R. Venditti, B. Franco, M. Caiazzo, B. Sadikovic, V. Nigro
- C 16** **La disfunzione dello spliceosoma come nuova frontiera nella comprensione di ID/ASD: una nuova sindrome causata da varianti de novo di SF3B3**
F. Faletra, P. Janos, G. Pianigiani, S. Cappelli, C. Alves, E. M. Schwaibold, M. Wagner, G. Costain, R. H. van Jaarsveld, A. Brusco, L. Pavinato, E. Biamino, A. Spano, C. C. Hildebrandt, Y. Chan, M. Berkenstadt, D. Koboldt, L. E. Vissers, Q. Hao, E. Goldmuntz, E. C. Bedoukian, D. Vecchio, E. Salzano, M. Piccione, C. Mio, E. E. Eichler, T. Wang, K. M. Butler, B. Cogné, I. M. Wentzensen, A. Magistrato, L. Musante
- C 17** **UBE2I mutations unveil the critical role of SUMOylation in neurodevelopmental disorders**
V. Pullano, A. Aulino, S. Trajkova, E. Sukarova-Angelovska, N. Elgouhari, H. Sczakiel, S. Hiatt, A. C. Hurst, B. Cogne, B. Isidor, M. Palomares-Bralo, E. Rikeros Orozco, V. Seidel, F. J. Climent, K. Julich, S. M. Sisodiya, M. Dasouki, K. King, M. Costa-Roger, M. del Campo-Casanellas, N. Martínez-Gil, L. Costa-Comellas, A. Pichler, S. Goffinont, M. J. Suskiewicz, B. Bolognesi, T. Pippucci, P. Dimartino, S. Cardaropoli, S. De Rubeis, J. Buxbaum, G. B. Ferrero, A. Brusco
- C 18** **Functional characterization of CLTC variants reveals genotype–phenotype correlations and supports VUS interpretation**
A. Ruggeri, L. Pannone, V. Muto, M. Tondo, A. de Brouwer, F. C. Radio, M. Tartaglia, V. Leuzzi, D. Koolen, F. Nardecchia, S. Martinelli
- 11:40-12:40 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala della Marina)**
 Comunicazioni orali 4 talks (C19-C22)
- GENETICA PREDITTIVA: CARATTERI E MALATTIE COMPLESSE**
Moderatori: Matteo Floris, Massimo Gennarelli
- C 19** **Lysosomal Pathway-based Polygenic Risk Score Analysis and Parkinson's Disease**
P. Dimartino, A. Tenghe, S. Khodae, A. Ashok Kumar Sreelatha, L. González Ricardo, E. M. Valente, M. Sharma
- C 20** **The Network for Italian Genomes (NIG) as a National Reference Infrastructure for Genomic Medicine**
E. Casalone, S. Devito, K. S. Hafeez, A. Ciolfi, E. Rossi, S. Gioiosa, D. Pedini, P. Dimartino, F. Landuzzi, G. B. Nardone, A. Mattiaccio, A. Torella, S. Furini, M. P. Concas, G. B. Pipitone, F. Ragno, A. Brusco, R. Asselta, T. Pippucci, M. Vecchi, S. Gustincich, P. Gasparini, E. M.

Valente, F. Amati, G. Novelli, S. R. Giglio, M. Seri, G. Casari, M. Tartaglia, A. Renieri, V. Nigro, G. Matullo

C 21 From the discovery of BAFF as a genomics-based drug target in autoimmune diseases, to the identification of a new class of BAFF inhibitors with therapeutic potential
M. L. Idda, S. Olla, F. Cucca

C 22 Predictive utility of childhood polygenic scores for adult disease risk and inform early-life prevention
F. Rosamilia, G. Fiorito, P. Vartiainen, G. Tantari, S. Rubinacci, P. Uva, I. Ceccherini

12:40-12:50 Intervallo

13:00-14:00 **WORKSHOP/SIMPOSI**
Sessioni non accreditate ECM

14:00-14:10 Intervallo

14:10-15:10 **WORKSHOP/SIMPOSI**
Sessioni non accreditate ECM

15:20-16:50 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Auditorium)**

GENETICA FORENSE

Moderatori: Emiliano Giardina, Paola Grammatico

Interverranno:

Polizia Scientifica, Denise Albani (Gabinetto Regionale Polizia Scientifica di Milano)

Carabinieri RIS, Alberto Marino (Reparto Investigazioni Scientifiche RIS di Parma)

Polizia di Stato, Renato Biondo (Dirigente Superiore Tecnico della Polizia di Stato - Responsabile delle Banche Dati Interforze)

Laboratorio Centrale della Banca Dati Nazionale del DNA, Daniela Caputo

Garante per la Protezione dei Dati Personali (GPDP), Cecilia Lugato

Associazione Italiana Genetisti Forensi (GeFI), Paolo Fattorini

CGF 01 Individual Epigenetics and Genetics as Predictors of Genotoxicity induced by Novel Psychoactive Substances (NPSs)

E. D'Aversa, M. Grisafi, B. Antonica, F. Salvatori, M. Marti, S. Bilel, A. Nucciarone, S. Pernagallo, D. Gemmati, V. Tisato

CGF 02 Oltre l'identità del DNA: reti bayesiane e activity level evaluation per rispondere al quesito "cosa è successo?" in un caso di presunta violenza sessuale

F. Alessandrini, L. Salvaderi

15:20-16:50 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala della Piazza)**

DIAGNOSI GENOMICA PREIMPIANTO

Moderatori: Antonio Capalbo, Domenico Dell'Edera

Opportunità cliniche del WGS in PGT

Christian Simon Ottolini

PGS e tratti complessi: basi scientifiche, applicazioni e criticità

Joris Vermeesch

Genomica embrionaria: confini etici tra clinica, tecnologia e società

Maurizio Balistreri

15:20-16:50 **SESSIONE PARALLELA** *non accreditata ECM (Sala del Tempio)*

FARMACOGENETICA E POLITERAPIA

Moderatori: Matteo Floris, Monica Rosa Miozzo

Pharmacogenetics universal implementation in real world: experience in Spanish Health System

Adrian Llerena

State of the art and future directions of PGx and Personalized Medicine in Europe

Mikko Niemi

The long and winding road towards pharmacogenomic implementation in the Italian National Healthcare System

Erika Cecchin

16:50-17:00 Intervallo

17:00-17:30 **INCONTRO CON L'AUTORE**

"Leggere i geni - viaggio nelle meraviglie del DNA"

Giuseppe Novelli

17:30-19:30 **ASSEMBLEA DEI SOCI (Auditorium)**

Venerdì 9 ottobre 2026

08:30-10:00 **POSTER VIEW CON AUTORI**
poster (numeri dispari)

10:00-11:00 **SESSIONE PARALLELA** *non accreditata ECM (Auditorium)*

GENETICA PREDITTIVA: CARATTERI E MALATTIE COMPLESSE

Moderatori: Mario Capasso, Massimo Gennarelli

Multomics and Polygenic Risk Scores: From Prediction to Clinical Applications

Michael Inouye

Clinical Applications of Polygenic and DNA Methylation Risk Scores in Cardiology

Giuseppe Matullo

10:00-11:00 **SESSIONE PARALLELA** *non accreditata ECM (Sala della Piazza)*

GENETICA CLINICA

Moderatori: Paola Mandich, Angela Peron

The evolution of phenotypes of genetic syndromes with age

Emilia K. Bijlsma

Il Valore Diagnostico dei Pattern Neuroradiologici nelle Condizioni Genetiche

Mariasavina Severino

10:00-11:00 **SESSIONE PARALLELA** *non accreditata ECM (Sala del Tempio)*

CITOGENOMICA

Moderatori: Maria Clara Bonaglia, Antonio Novelli

Impact of triplications, inversions and non-tandem duplications in human disease

Alistair Pagnamenta

Complex Genomic Architecture in Human Evolution and Disease

Giuliana Giannuzzi

10:00-11:00 **SESSIONE PARALLELA** *non accreditata ECM (Sala della Marina)*

MOLECULAR THERAPIES TO TREAT GENETIC DISORDERS

Moderatori: Daniele Ghezzi, Sabrina Rita Giglio

Human chromosome transfer and elimination

Gianluca Petris

Gene editing / gene therapy per emoglobinopaties

Franco Locatelli

11:00-11:10 Intervallo

11:10-12:40 **SESSIONE PARALLELA** *non accreditata ECM (Auditorium)*

Comunicazioni orali 6 talks (C23-C28)

METODOLOGIA GENOMICA

Moderatori: Irene Bottillo, Laura Cardarelli

C 23 **Accurate characterization of the Homoplasmic mtDNA Variant Spectrum by Masking NUMT-Derived False Heteroplasmies and Identifying Novel NUMT Insertions through ONT Methylation Profiling**

S. N. Cox, A. S. Varvara, G. Visci, S. Buonanno, C. Gissi, G. Pesole

C 24 **Whole-Genome Sequencing in Routine Diagnostics: Still Too Hot to Handle? A Three-Year Experience**

L. Goisis, M. F. Bedeschi, M. Bellini, F. Cappuccini, A. Carrer, E. Cattaneo, U. Cavallari, A. Cereda, M. R. Cutrì, C. Daolio, S. Gasperini, C. Lucca, S. Maietta, D. Marchetti, M. Mariani, D. Milani, C. Mongodi, F. Natacci, L. Pezzani, L. Pezzoli, A. Pilotta, E. Rosina, A. Scatigno, A. Selicorni, L. Spaccini, D. Tonduti, M. Iascone

C 25 **Unraveling Primary Mitochondrial Myopathies through Genomic and Transcriptomic Integration**

R. Izzo, A. Nasca, A. Legati, E. Moresco, M. Barresi, F. Conti, S. Marchet, D. Sala, E. Lamantea, F. Salerno, L. Maggi, C. Fiorini, S. Servidei, M. Mancuso, L. Caporali, C. Lamperti, D. Ghezzi

C 26 **Single-nucleus RNA seq analysis reveals emergence of NFκB-associated TAMs driving SPP1–CD44 signaling after chemotherapy in neuroblastoma**

M. Minopoli, F. Bonfiglio, T. Maiorino, M. Tirelli, M. Morini, K. Mazzocco, G. V. Vellone, A. Iolascon, M. Capasso

C 27 **Unlocking the non-coding genome: NonCodator, a functionally driven pipeline for annotation and prioritization of non-coding variants**

L. Chiriatti, A. Bruselles, C. Mancini, M. Tartaglia

C 28 **Assessing the impact of variants of uncertain significance on RNA splicing to improve diagnostic yield in patients with Growth and Neurodevelopmental Disorders**

G. Borgonovi, S. Mellone, G. Papagni, J. Micheletti, T. Scagliotti, A. Ugonotti, F. Fortuna, M. Sculco, S. Ronzani, A. Crisci, M. Sciancalepore, E. Corsetti, D. Vurchio, A. Spano, M. Viri, A.

Papa, L. Corrado, G. Mandrile, S. Bellone, I. Rabbone, S. Vannelli, G. B. Ferrero, U. Dianzani, M. Giordano

11:10-12:40 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala della piazza)**
Comunicazioni orali 6 talks (C29-C34)

GENETICA CLINICA

Moderatori: Francesca Faravelli, Marco Seri

- C 29** **A RNA-based laboratory workflow to complement DNA-based next generation sequencing in clinical interpretation of actionable variants of uncertain significance in a diagnostic environment**
E. Di Muro, F. Russo, G. Nardella, C. Buondiolì, R. Pracella, S. Morlino, C. Castori, L. Micale
- C 30** **Exploring the role of the LARP1B protein in a novel developmental disorder**
N. Haghighpanah, V. Morbidoni, E. Tacchetto, R. Brañas Casas, N. Facchinello, L. Pannone, S. Martinelli, L. Salviati, N. Tiso, M. Cassina, E. Trevisson
- C 31** **Advanced patient-derived nasal and retinal models for precision therapy in choroideremia**
M. R. Sciuto, P. Verachi, S. Lo Cicero, G. Castelli, G. Sette, A. M. Cerio, A. Ceci, P. Melillo, R. Boccia, S. Vallone, V. Maiolo, T. Fioretti, F. Simonelli, G. Esposito, F. Testa, A. Eramo
- C 32** **Functional stratification of YWHAZ variants explains distinct neurodevelopmental disorders**
M. Motta, I. Popov, I. Guarnetti Prandi, J. Tao, M. Priolo, M. Ferilli, YWHAZ working group, A. Bruselles, G. Chillemi, A. Ciolfi, V. Cordeddu, A. Crunk, P. Daniele, A. De Luca, E. Flex, C. Leoni, C. Mancini, M. Marica, R. Onesimo, F. C. Radio, K. N. Weaver, G. Zampino, C. Chang, M. Tartaglia
- C 33** **Molecular Diagnostic Yield and Testing Strategies in Isolated Lateralized Overgrowth: A Multicenter Italian Retrospective Study**
M. Calvo, G. Reynolds, D. Carli, M. Luca, S. Massuras, I. Carelli, S. Cardaropoli, G. Fiumana, G. Sperti, D. Milani, G. Gori, G. Traficante, I. Bellani, A. Carollo, R. Cordiali, L. Santoro, M. Macchiaolo, A. Peron, S. Stagi, G. Cocchi, R. Pajno, M. Conte, C. Leoni, A. Mussa
- C 34** **Investigation of de novo variants in the SCN2A and SCN8A genes associated with epileptic encephalopathy: connection between ion channel dysfunction, neuronal excitability, and personalized pharmacological approaches**
C. I. Giordano, N. Prugnoli, A. Ludovico, L. Morinelli, A. Riva, L. Muzzi, P. Striano, C. Picco, J. Scholz-Starke, A. Corradi, F. Zara, L. Ferrera, A. Boccaccio

11:10-12:40 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala del Tempio)**
Comunicazioni orali 6 talks (C35-C40)

EPIGENETICA

Moderatori: Fabio Coppedè, Davide Gentilini

- C 35** **Multi-tissue analysis to enhance the detection of low-grade mosaicism in Beckwith-Wiedemann Syndrome and Silver-Russell Syndrome**
A. Vimercati, S. Guzzetti, E. Mainini, L. Calzari, E. Manfredini, D. Gentilini, E. Galazzi, D. Milani, M. F. Bedeschi, C. Lo Rizzo, A. Maiorana, M. R. Cutrì, A. Pilotta, C. Daolio, A. Cereda, E. Cattaneo, L. Spaccini, C. Rossi, G. Gori, G. Mancano, G. Traficante, M. Mariani, A. Selicorni, P. Tannorella, S. Russo
- C 36** **DNA Methylation Analysis to Resolve Inconclusive Genetic Findings in Diamond-Blackfan Anemia**

S. Rizzo, P. Quarello, E. Garelli, S. Trajkova, F. Marangoni, A. Carando, J. Kerkhof, J. Rzasa, H. McConkey, G. B. Ferrero, B. Sadikovic, A. Brusco

- C 37** **Genome-wide DNA methylation profiling in Fanconi anemia: a robust episinature for diagnosing reverted patients, reclassifying variants of uncertain significance, and resolving unsolved cases**
M. Ferilli, C. Cappelletti, C. Oliveira, M. Bogliolo, B. Porto, J. Surrallés, A. Cioffi, M. Tartaglia
- C 38** **Biallelic METTL5 variants cause a syndromic neurodevelopmental disorder through loss of 18S rRNA m6A methylation**
D. Pasquetti, R. Maroofian, L. Li En Tay, L. Wacheul, M. Zamani, D. Mei, L. Stange, I. Hayes, N. Chamanrou, G. Alhajaj, J. M. Van Hagen, M. Niceta, F. Kok, S. Maqbool, A. Avicé-Denizet, G. Zifarelli, W. Eyaid, N. Damsa, M. L. Dentici, J. De Sainte Agathe, P. G. Wheeler, M. Tartaglia, F. S. Alkuraya, R. Guerrini, M. Suri, M. S. Severino, H. Houlden, D. Touboul, D. L. Lafontaine, M. Graille
- C 39** **DNA methylation profiling refines molecular diagnosis and variant interpretation in inherited red blood cell disorders**
B. E. Rosato, R. Marra, M. Manno, C. Maria, M. Cuomo, R. Della Monica, V. D'Onofrio, F. M. Esposito, A. Iscaro, A. Nostro, A. Perrotta, F. Russo, L. Chiariotti, A. Iolascon, I. Andolfo, R. Russo
- C 40** **Dissecting Tumor DNA Methylation Heterogeneity via Epigenetic States Decomposition of Sequencing Data**
A. Pezone, A. Feola, A. Romano, M. V. Napoli, V. Morgera, P. Riccio, A. Gabrielli, G. Matarese, A. Porcellini, V. E. Avvedimento
- 11:10-12:40 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM (Sala della Marina)**
Comunicazioni orali 6 talks (C41-C46)
- ONCOGENETICA**
Moderatori: William Bruno, Monica Rosa Miozzo
- C 41** **The Italian Network for Breast Cancer (INBC): Frequency and Clinical Impact of Germline Variants in Breast Cancer**
C. Debernardi, A. Russo, I. Antonucci, M. Capasso, I. Carnevali, V. D'Argenio, E. De Matteis, F. Dulcetti, S. Gambardella, E. Giardina, S. Giglio, G. Inella, E. Lucci Cordisco, D. Mazzà, V. Nigro, G. Novelli, B. Pasini, G. Pessina, A. Petracca, M. Piane, F. C. Radio, F. Ragno, A. Renieri, N. Resta, R. Tarallo, V. Uliana, G. Matullo
- C 42** **Below the threshold: are we overlooking pathogenic constitutional mosaicism in hereditary cancer testing?**
E. Tenedini, L. Bonamici, A. Toss, V. P. Fabbri, L. Artuso, M. Marino, M. Grippa, E. Barbieri, E. Zattarin, C. Piombino, M. Venturelli, I. Marchi, M. Forcato, L. Cortesi, A. Eccher, M. Dominici, E. Tagliafico
- C 43** **Spatial transcriptomics as a proof-of-concept framework to investigate malignant transformation in peripheral nerve sheath tumors in neurofibromatosis type 1**
A. Luberto, S. Terzoli, R. Bosotti, S. Busciglio, I. R. Cannizzaro, A. Taiani, E. Ambrosini, G. Vitetta, C. Azzoni, L. Bottarelli, P. Ferrari, G. Sabbatinelli, M. De Cesare, L. Rotta, D. Corradi, A. Riva, A. Percesepe, V. Uliana, V. Barili
- C 44** **Uncovering the Synergistic Role of the RLF::MYCL Chimera with MYCL in SCLC**
V. Fiume, D. Tolomeo, S. Venuto, G. Tamma, R. A. Cardone, M. Ardone, T. Mazza, N. Liorni, A. Napoli, L. A. Muscarella, M. D'agostino, S. Miglietta, A. Castegna, C. T. Storlazzi

- C 45** **Germline exome sequencing in 846 pediatric B-ALL patients identifies enrichment of CHEK2 variants and cell cycle-related pathways**
F. Bonfiglio, G. Pirozzi, L. P. Bruno, G. Fazio, M. Tirelli, V. Aievola, L. Bettini, D. Silvestri, M. G. Valsecchi, A. Iolascon, G. Cazzaniga, M. Capasso
- C 46** **Spatially resolved mapping of early high-grade serous ovarian cancer initiation reveals novel epithelial states and microenvironmental drivers**
L. Paracchini, R. Zadro, C. Laura, G. Basso, E. Bonavita, A. Piermattei, G. Zannoni, C. Marchetti, A. Fagotti, S. Marchini
- 12:40-12:50 Intervallo
- 12:50-13:50 **WORKSHOP/SIMPOSI**
Sessioni non accreditate ECM
- 13:50-14:00 Intervallo
- 14:00-15:30 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM - Auditorium**
- GENETICA DELLE POPOLAZIONI NEL MONDO REALE: DIVERSITÀ, STORIA EVOLUTIVA E IMPLICAZIONI PER LA MEDICINA DI PRECISIONE**
Moderatori: Giuseppe Matullo, Alessandra Renieri
- Reconstructing the evolution of complex adaptive traits informs on their legacy in populations' health and disease biology**
Marco Sazzini
- Translational genomics of complex disease**
Norbert Bittner
- From molecules to complex traits: How populations can help us understand biology and disease**
Nicola Pirastu
- 14:00-15:30 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM – Sala della Piazza**
- THE EYE PLANET: DISEASES, GENETICS AND THERAPY**
Moderatori: Giovanni Romeo, Marco Seri
- Maculopathies: from Stargardt disease to Age-related Macular Degeneration**
Rando L. Allikmets
- Generalised Inherited Retinal Diseases**
Bart Leroy
- Anterior Segment Dysgenesis & Cataract**
Graeme Black
- Inherited optic neuropathies: genetic landscape and new therapeutical approaches**
Valerio Carelli
- 14:00-15:30 **SESSIONE PARALLELA non accreditata ECM – Sala del Tempio**
CLINICAL GENETICS CLUB
Moderatori: Emilia K. Bijlsma, Livia Garavelli

Unexpected extreme variability in monogenic syndromes complicating variant interpretation and counselling

Emilia K. Bijlsma

Clinical and mutational spectrum of SEC23A-related dominant cranio-lenticulo-sutural dysplasia

Francesca Peluso

Examples of gain of function variants and loss of function variants in the same gene (and other instructive cases)

Emilia K. Bijlsma

Discussion

Emilia K. Bijlsma, Livia Garavelli

Genetic Quizzes

Emilia K. Bijlsma

15:30-16:20 Chiusura congresso e premi

SIMPOSI NON ACCREDITATI ECM

Giovedì 8 ottobre 2026

13:00-14:00 **WORKSHOP - Sala della piazza**

Con il contributo non condizionante di ILLUMINA

PIÙ VALORE DA OGNI GENOMA: INNOVAZIONI PER UNA GENOMICA AVANZATA

Moderatore: Daniela Piazzolla (Illumina)

TruPath Genoma: più semplicità e una visione più completa del genoma

Andrea Finocchio (Illumina)

**Il nostro percorso nella genomica: dall'esperienza attuale
alle innovazioni per risolvere i casi complessi**

Antonio Novelli (Roma)

Genomics in Action: Where We Are

Laura Pezzoli (Bergamo)

13:00-14:00 **WORKSHOP - Sala del Tempio**

Con il contributo non condizionante di LIMBUS MEDICAL TECHNOLOGIES

**LONG READ AND PROSPER: SEQUENZIAMENTO A LETTURA LUNGA, AI E LA NUOVA
FRONTIERA DELLA GENOMICA CLINICA**

Moderatore: Bruno Pescara (Limbus Medical Technologies)

**Espansioni non codificanti pentanucleotidiche in STARD7 come causa di epilessia
mioclonica familiare (FAME2)**

Chiara De Luca (L'Aquila)

Innovazione nell'interpretazione delle varianti: l'esperienza di Tor Vergata con AION

Valentina Ferradini (Roma)

13:00-14:00 **WORKSHOP - Sala della Marina**

Con il contributo non condizionante di 4BASES ITALIA

**LA RIVOLUZIONE DELLA CITOGENOMICA: DAL CARIOTIPO ALLE TECNOLOGIE DI
SEQUENZIAMENTO LONG-READ**

**La citogenetica 2.0: dall'integrazione di CNV, SV e ROH ad una nuova interpretazione del
genoma**

Alberto Magi (Firenze)

Il sequenziamento di nuova generazione nella citogenomica prenatale

Elisabetta Pelo (Firenze)

Approccio genome-wide nella diagnosi genomica postnatale e oncoematologica

Daniela Zuccarello (Venezia)

**Reagenti liofili, dalla variabilità alla standardizzazione: il nuovo presente della library prep
in clinica**

Emanuele Tosi (Meridian Life Science) Valentina Favalli (4bases Italia srl)

14:10-15:10 **WORKSHOP - Sala della Piazza**

Con il contributo non condizionante di TOMALAB AND MEDICOVER GENETICS

TOMALAB AND MEDICOVER GENETICS: BRIDGING CLINICIANS AND CLINICAL DECISION SUPPORT

Moderatore: Alessandro Pizzigoni (Medicover Genetics)

Introduction to Medicover Genetics

Stefan C. Mehrle (Medicover Genetics)

Implementation of VERACITY NIPT on the AVITI Platform in a Molecular Genetics Laboratory

Oliver Wachter (Medicover Genetics Germany)

Moderator: Annamaria Galietta (TomaLab)

Implementing Advanced NIPT Technologies: Effects on Laboratory Workflow and Clinical Support

Francesca Dulcetti (TomaLab)

Integrated Genetic Diagnostics: The TomaLab Approach from Prenatal Testing to Clinical Exome Sequencing

Lorenza Martinoni (Tomalab)

14:10-15:10 **WORKSHOP - Sala del Tempio**

Con il contributo non condizionante di BIO-RAD LABORATORIES

PRECISION REDEFINED WITH DROPLET DIGITAL™ PCR

Moderatore: Eugenia Pisano (Bio-Rad Laboratories)

Droplet Digital PCR: A Highly Sensitive Approach for Detecting Driver Variants in myeloproliferative neoplasm Ph- (MPN-Ph-)

Giovanni Iaquinta (Roma)

FGFR2-driven cancer of unknown primary: from extrachromosomal DNA transfer to targeted therapeutic vulnerability

Manuela Ferracin (Bologna)

14:10-15:10 **WORKSHOP - Sala della Marina**

Con il contributo non condizionante di ROCHE DIAGNOSTICS

Nuova piattaforma di sequenziamento Axelios: prime esperienze italiane

Moderatrice: Prof.ssa Sabrina Rita Giglio

Whole Genome Sequencing Resolves the Diagnostic Gap in Pediatric Mendelian Disorders

Alessandra Terracciano (Roma)

Genomica della risposta mancata: primi dati AXELIOS nelle malattie metaboliche con resistenza alla terapia anoressizzante

Giovanni Battista Pipitone (Milano)

Venerdì 9 ottobre 2026

12:50-13:50 **WORKSHOP - Sala della Piazza**

Con il contributo non condizionante di MERCK SERONO SPA

APPROCCI INNOVATIVI ALLA GESTIONE DI NEUROFIBROMI PLESSIFORMI ASSOCIATI A NF1 IN PAZIENTI PEDIATRICI E ADULTI

Moderatore: Pasquale Striano (Genova)

Diagnosi e gestione della NF1: il ruolo del genetista nel team multidisciplinare

Eva Trevisson (Padova)

Management clinico di neurofibromi plessiformi associati a NF1

Antonio Percesepe (Parma)

Nuovi approcci nella gestione dei neurofibromi plessiformi associati a NF1 in pazienti pediatrici e adulti

M. Macchiaiolo (Roma)

12:50-13:50

WORKSHOP - Sala del Tempio

Con il contributo non condizionante di OXFORD NANOPORE TECHNOLOGIES

CHIAREZZA SENZA DUBBI CON OXFORD NANOPORE TECHNOLOGIES

Introduction: Cristina Gamba (Oxford Nanopore Technologies)

Moderatore: Antonio Novelli (Roma)

Sequenziamento genomico mediante Oxford Nanopore Technologies (ONT) e malattie rare: prospettive e applicazioni per la diagnostica clinica

Chiara Perrone (Roma)

Definizione di alterazioni strutturali in regioni genomiche complesse

Tommaso Pippucci (Bologna)

Applicazioni del sequenziamento Oxford Nanopore Technologies nelle malattie neurologiche

Luca Morandi (Bologna)

Roundtable and Q&A

12:50-13:50

WORKSHOP - Sala della Marina

Con il contributo non condizionate di ENGENOME

INTELLIGENZA ARTIFICIALE E INTERPRETAZIONE DELLE VARIANTI: DALLE PRIME APPLICAZIONI ALLA PRATICA CLINICA

Moderatore e relatore: Ivan Limongelli (enGenome)

Relatrice: Laura Fontana (Milano)

INFORMAZIONI GENERALI

Palacongressi di Rimini
Via Monte Titano 152
47923 Rimini (RN)

SEGRETERIA ORGANIZZATIVA

Biomedia srl
Via L. Temolo 4 - 20126 Milano - Tel. 02/45498282
E-mail: congressosigu@biomedia.net
www.biomedia.net - <https://sigu.congressonazionale.com>
Orario apertura uffici:
dal lunedì al venerdì ore 9.00 - 13.00 / 14.00 - 18.00

REFERENTI BIOMEDIA

Referente Commerciale Aziende	Ermes Turolla - ermes.turolla@biomedia.net
Referente Organizzativo	Sara Annacondia – sara.annacondia@biomedia.net
Referente Operativo Aziende	Laura Billò - laura.billo@biomedia.net
Referente Relatori/ED Grants	Teresa Paciletti - teresa.paciletti@biomedia.net
Segreteria SIGU	Valentina Salvo - sigu@biomedia.net
Presentazione Abstract e Poster	Sara Annacondia – sara.annacondia@biomedia.net

La Segreteria sarà operativa presso la Sede Congressuale sino al termine del congresso.

SEGRETERIA SOCIETÀ SCIENTIFICA

La Segreteria sarà operativa presso la Sede Congressuale per tutta la durata del Congresso. Presso la Segreteria SIGU sarà possibile regolarizzare le quote associative.

AREA ESPOSITIVA

Presso la sede congressuale è previsto uno spazio espositivo riservato alle aziende che hanno contribuito alla realizzazione della manifestazione.

L'area espositiva sarà aperta al pubblico con i seguenti orari:

Mercoledì 7 ottobre dalle ore 11.00 alle ore 19.00

Giovedì 8 ottobre dalle ore 8.30 alle ore 18.30

Venerdì 9 ottobre dalle ore 8.30 alle ore 16.20

QUOTE DI ISCRIZIONE AL CONGRESSO

SOCIO SIGU*	Entro il 21 luglio 2026	Dal 22 luglio 2026	Onsite
Intero congresso	€ 250,00 + IVA = € 305,00	€ 350,00 + IVA = € 427,00	€ 400,00 + IVA = € 488,00
Giornaliera (solo un giorno non rinnovabile. La quota non dà diritto ai crediti ECM)	€ 100,00 + IVA = € 122,00	€ 120,00 + IVA = € 146,40	€ 150,00 + IVA = € 183,00
Primo autore e/o Presentatore Comunicazione	€ 250,00 + IVA = € 305,00	quota invariata	€ 300,00 + IVA = € 366,00
NON SOCIO	Entro il 21 luglio 2026	Dal 22 luglio 2026	Onsite
Intero congresso	€ 400,00 + IVA = € 488,00	€ 500,00 + IVA = € 610,00	€ 550,00 + IVA = € 671,00
Giornaliera (solo un giorno non rinnovabile. La quota non dà diritto ai crediti ECM)	€ 150,00 + IVA = € 183,00	€ 170,00 + IVA = € 207,40	€ 200,00 + IVA = € 244,00
Primo autore e/o Presentatore Comunicazione	€ 350,00 + IVA = € 427,00	quota invariata	€ 400,00 + IVA = € 488,00
Under 35 (35 anni compiuti entro il 31/12/2026)** e/o primo autore poster/presentatore comunicazione under 35 anni e/o studenti / specializzandi / dottorandi	Entro il 21 luglio 2026	Dal 22 luglio 2026	Onsite
Intero congresso	€ 100,00 + IVA = € 122,00	quota invariata	€ 120,00 + IVA = € 146,40

*in regola con il pagamento della quota associativa 2026

** La quota agevolata è riservata ai partecipanti Under 35 e/o Studenti / Specializzandi / Dottorandi in corso e regolarmente iscritti a corsi universitari nell'anno accademico in corso. Sono da

considerarsi compresi Studenti iscritti a corsi di Laurea triennale, di Laurea magistrale, di Dottorato e di Specializzazione. Assegnisti, Borsisti e Ricercatori NON rientrano in questa categoria.

La quota di iscrizione comprende:

- Accesso ai lavori congressuali
 - Kit congressuale completo
 - Attestato di presenza Attenzione: l'attestato di presenza sarà scaricabile on line dal partecipante post congresso
 - Lunch e coffe break se previsti a programma
- Non sono previste navette per gli spostamenti

CANCELLAZIONI E RIMBORSI

Per le rinunce che perverranno alla Segreteria Organizzativa fino a 40 giorni prima dell'evento non sarà applicata nessuna penale, oltre tale termine e fino a 15 giorni prima dell'inizio dell'evento sarà trattenuto il 50% della quota d'iscrizione a titolo di spese di segreteria. Dopo tale termine, non sarà effettuato nessun rimborso. Inoltre, non saranno rimborsate quote di iscrizioni non usufruite, per le quali non sia pervenuta la relativa rinuncia entro i termini stabiliti. In qualsiasi momento è comunque possibile sostituire il nominativo dell'iscritto inviando una comunicazione all'indirizzo congressosigu@biomedia.net (Nel caso di aziende sponsor si ricorda che la sostituzione del nominativo dovrà essere fatta esclusivamente online tramite apposita piattaforma) Ogni eventuale rimborso verrà effettuato in seguito alla conclusione dell'evento. Qualora l'evento venga cancellato per cause che non dipendano dalla Segreteria Organizzativa, la stessa non rimborserà spese sostenute dal partecipante ad eccezione della quota di iscrizione.

Attenzione:

Le fatture emesse non potranno essere modificate in nessuna loro parte

1. Una volta confermata l'iscrizione non sarà possibile effettuare cambi di quota
2. Ogni eventuale richiesta dovrà prevenire esclusivamente tramite e-mail all'indirizzo congressosigu@biomedia.net

PRENOTAZIONE ALBERGHIERA

Gruppi/Delegazioni aziendali (no individuali)

I viaggi di Salomone: sigu@iviaggidisalomone.it

ACCREDITAMENTO ECM

Il XXIX Congresso SIGU è incluso nel piano formativo di SIGU Provider n. 877 ed è accreditato presso il Programma Nazionale di Educazione Continua in Medicina del Ministero della Salute.

Obiettivo Formativo: Contenuti-tecnico-professionali (conoscenze e competenze) specifici di ciascuna professione, di ciascuna specializzazione e di ciascuna attività ultraspecialistica, ivi incluse le malattie rare e la medicina di genere.

Categorie accreditate: Medico Chirurgo, Biologo, Tecnico sanitario di Laboratorio Biomedico

Discipline accreditate: Anatomia Patologica; Biochimica Clinica; Cardiologia; Ematologia; Endocrinologia; Epidemiologia; Farmacologia E Tossicologia Clinica; Genetica Medica; Ginecologia E Ostetricia; Laboratorio Di Genetica Medica; Malattie Metaboliche E Diabetologia; Medicina Generale (Medici Di Famiglia); Microbiologia E Virologia; Neonatologia; Neurofisiopatologia; Neuropsichiatria Infantile; Oncologia; Patologia Clinica (Laboratorio Di Analisi Chimico-Cliniche E Microbiologia); Pediatria; Pediatria (Pediatri Di Libera Scelta); Psichiatria;

L'accreditamento è stato registrato come segue:

7 OTTOBRE 2026

N. pratica ecm: 488954

Ore di Formazione: 5

Crediti: 1,5

FASCIA ORARIA ACCREDITATA

14:00-15:00 OPENING LECTURE "Small nuclear RNA genes and Mendelian disorders"

15:00-17:00 SESSIONE PLENARIA: RNA E MALATTIE: "L'RNA nelle Malattie Mendeliane: Splicing, Nonsense-Mediated Decay e Terapie RNA-Based

17:30-19:00 SESSIONE PLENARIA: Migliori abstract selezionati (C1-C6)

Per avere diritto ai crediti ECM è necessario:

- aver frequentato il 90% dell'attività formativa dell'evento
- aver passato il badge all'inizio e alla fine di ogni sessione accreditata
- aver consegnato in Segreteria l'autocertificazione presente nella borsa congressuale e compilato il questionario di soddisfazione disponibile al sito <https://elearning.sigu.net> dal 10 al 12 ottobre 2026.
- aver consegnato la scheda "partecipante sponsorizzato" SOLO nel caso in cui la propria iscrizione sia stata effettuata da sponsor commerciale (no aziende asl / università etc)
- aver compilato il questionario di soddisfazione e valutazione disponibile online

Una volta compilati i questionari sarà possibile scaricare direttamente dal sito il proprio attestato ECM. Si rammenta al partecipante che il limite massimo dei crediti formativi ricondotti al triennio di riferimento 2026-2028 acquisibili mediante invito da sponsor è di 1/3.

ACCESSO ALLE SALE

L'accesso alle sessioni scientifiche è consentito solo ai partecipanti muniti di badge di riconoscimento. Il badge nominativo dovrà essere indossato per tutta la durata del Congresso.

ATTESTATI

Tutti i partecipanti regolarmente iscritti hanno diritto ad un attestato di partecipazione. L'attestato dovrà essere stampato dal partecipante a partire dal giorno di chiusura dell'evento.

BADGE

In prossimità dell'inizio del congresso verrà inviato tramite email il badge elettronico per la partecipazione al congresso.

PREMI

Durante il congresso saranno assegnati i premi per le migliori comunicazioni. La premiazione si svolgerà in seduta plenaria.

SIGU PER IL CONGRESSO ADERISCE A FOOD FOR GOOD – FROM MEETINGS TO SOLIDARITY

Progetto nato 10 anni fa da Federcongressi&eventi in collaborazione con Banco Alimentare ed Equoevento Onlus